



# SmaI

## Sma I

Restriktions-Endonuklease

### Erkennungssequenz:



Best.Nr.	Größe
E2390-01	2 000 Einheiten
E2390-02	10 000 Einheiten

Reaktionstemperatur: **25°C**

Inaktivierungstemperatur (20 min): **65°C**

Prototyp: **SmaI**

Quelle: *Serratia marcescens*

### Packungsinhalt:

- SmaI
- 10x Reaktionspuffer ONE
- BSA [100x]

Wird als separate Komponente beigelegt, um Ausfällungen im Reaktionspuffer vorzubeugen.

- Dilution Buffer # 1

Nur für Enzyme in höheren Konzentrationen als 10 U/µl. Hohe Proteinkonzentrationen gewährleisten Stabilität für langfristige Lagerung. Mittels Dilution Buffer können Arbeitsverdünnungen in gebräuchlichen Konzentrationen (5-10 U/µl) erstellt werden, die bei -20°C nicht durchfrieren.

Lagerungsbedingungen: Lagerung bei -20°C

Doppelverdau – Pufferkompatibilität: Puffer ONE ist kompatibel mit den meisten EURx Restriktionsenzymen.

### Empfohlener Puffer: ONE

(oder kompatible Puffer anderer Hersteller)

### DNA Methylierung:

Keine Inhibition: dam, dcm, EcoKI  
Inhibition (Blockiert): CpG

### Standard-Protokoll für Restriktionsverdau:

#### Zusammenfügen folgender Reaktionskomponenten:

- 1-2 µg DNA oder 10 µl PCR-Produkt (= ~0.1-2 µg DNA)
- 5 µl 10x Puffer ONE
- 0.5 µl BSA [100x]

1-2 U SmaI (bzw. 1 U/µg DNA, < 10 % Reaktionsvolumen!)

- Tips: Enzym als letzte Komponente zufügen.
- Komponenten vor Zugabe des Enzyms gut mischen.
- Nach Enzymzugabe nicht vortexen, vorsichtig mischen.
- Hohe Enzymmengen (Überschuss) können den Reaktionsablauf deutlich beschleunigen.

@ 50 µl H<sub>2</sub>O, DNA- und DNase frei

#### Inkubation für 1 h bei 25°C

Um DNA mit hohem Molekulargewicht (z.B. genomische DNA von Pflanzen) vollständig zu schneiden, sollte ein Überschuss an Enzym eingesetzt und die Reaktionszeit verlängert werden.

#### Stoppen der Reaktion (Alternativen):

- (a) 2.1 µl EDTA pH 8.0 [0.5 M] zufügen, Endkonz. 20 mM *oder*
- (b) Hitzeinaktivierung  
20 min bei 65°C *oder*
- (c) DNA Reinigung mit Zentrifugationssäulen  
(z.B. EURx PCR/DNA CleanUp Kit, Best.Nr. E3520) *oder*
- (d) Gelelektrophorese, Ausschneiden einzelner Banden  
(z.B. EURx AgaroseOut DNA Kit, Best.Nr. E3540) *oder*
- (e) Phenol-Chloroform Extraktion oder Ethanolgefällung.

#### Nicht optimale Pufferbedingungen:

Um verminderter Enzymaktivität entgegenzuwirken, kann die Enzymmenge und / oder die Reaktionszeit erhöht werden. Als Orientierungshilfe dienen folgende Werte:

- *Enzymmenge:* Anstelle von 1 U Enzym werden ~4 U Enzym in Puffern mit 25 % rel. Aktivität, ~2 U in 50 %, ~1.5 U in 75 % oder ~1 U in 100 % eingesetzt.
- *Reaktionszeit:* Erhöhung um das ~1.3-fache (75 % Rel. Aktivität), ~2-fache (50 %) oder ~4 fache (25 %).

#### Definition der Einheit:

Eine Einheit ist die Menge des Enzyms, die erforderlich ist, um 1 µg pUC19-MCS11 DNA vollständig zu schneiden. Die Inkubation wird bei 25°C für 1 Stunde in einem Reaktionsvolumen von 50 µl im optimalen Reaktionspuffer durchgeführt.

#### Kompatibilität des Reaktionspuffers:

Dieses Enzym ist vollständig kompatibel zu Puffersystemen anderer Hersteller. Bitte beachten Sie auch die entsprechenden Bedienungsanleitungen von Drittanbietern.

#### Lagerungspuffer (Storage Buffer):

20 mM Tris-HCl (pH 7.5 bei 22°C), 1 mM EDTA, 7 mM beta-Mercaptoethanol, 500 µg/ml Rinderserumalbumin und 50 % [v/v] Glycerin.

#### Qualitätskontrolle:

Alle Chargen werden auf Endonuklease-, Exonuklease-, sowie auf unspezifische einzel- und doppelsträngige DNase- Aktivitäten geprüft.